

**TÍTULO:** PERFIL DE CEPAS VIBRIO.SPP PORTADORAS DE GENES DE RESISTÊNCIA A ANTIBIÓTICOS DESCRITAS NO BANCO DE DADOS GENBANK® (NCBI).

**AUTORES:** SANTOS, A.C.C; CORRÊA, M.E.R; GOMES, A.C.A; BORGES, B.G.M; PONTES, L.S; OLIVEIRA, J.G; ALMEIDA, E.R.O; VIANA, E.L.C; OLIVEIRA, R.S;

**INSTITUIÇÃO:** UNIVERSIDADE DA AMAZÔNIA, PARÁ, PA (AVENIDA BERNARDO SAYÃO, 8420, CEP 67030-007, BELÉM-PA, BRASIL)

**RESUMO:**

O *Vibrio* spp. é uma bactéria Gram-negativa da família Vibrionaceae com formato bacilar, encontrados principalmente em ambientes aquáticos de água doce ou marinha. Algumas espécies são patogênicas para seres humanos e para animais aquáticos, podendo multiplicar-se de maneira intensificada levando ao quadro de infecção. Diante disso, essa situação pode ser preocupante, devido às cepas desta espécie carregarem genes resistentes a antibióticos, complicando o procedimento terapêutico. Mediante a isto, o objetivo deste trabalho foi determinar o perfil de cepas de *Vibrio* spp. portadoras de genes de resistência a antibióticos descritas no banco de dados Genbank® (NCBI). Com isso, efetuou-se um estudo retrospectivo descritivo a respeito de genes codificantes de resistência relacionados a cepas de *Vibrio* spp., depositados no banco de dados Genbank (NCBI) até o ano de 2020. No procedimento de busca, utilizou-se o filtro “gene” e foram usados o nome de genes associados a resistência a antibióticos, relatado na literatura. Além disso, realizou-se um levantamento de dados estatístico descritivo a partir das informações extraídas dos arquivos no formato *Genbank* de cada sequência, utilizando a ferramenta Excel (Office 316®), analisando as variáveis: sítio de isolamento e localização geográfica da cepa portadora do gene. Obteve-se 27 sequências de genes associadas a resistência a antibióticos. As cepas associadas foram isoladas de amostras da água do mar (33%) e animais marinhos (18%). Além disso, 78% dessas sequências foram identificadas como gene qnr, o qual está associado a resistência, atingindo antimicrobianos como as quinolonas. Essas cepas de *Vibrio* spp. foram identificadas principalmente em países da China (27%) e nos EUA (27%). Sendo assim, o entendimento do perfil dessas cepas com ênfase no gene de resistência, ajuda a obter a melhor forma de tratamento, além de impedir a disseminação de genes de resistência.

**PALAVRAS-CHAVE:** *Vibrio* spp., Resistência a antibióticos; Genes de resistência.